

REORDENAMIENTO Y EXPRESIÓN DE CADENAS LIGERAS EN PROCESOS LINFOPROLIFERATIVOS B DE TIPO NO HODGKIN

M. García García¹, B. Bellosillo¹, A. Ferrer del Álamo¹, L. Comerma¹, M.C. Vela¹, A. Torner¹, A. Salar², B. Sánchez-González², C. Besses², S. Serrano¹

¹Servicios de Patología y ²Hematología Clínica². Hospital del Mar-PS Mar. Barcelona

Introducción: El diagnóstico de las lesiones malignas linfoides puede apoyarse con el estudio de clonalidad, ya que todas las células tumorales tienen un origen clonal común. En el caso de los procesos linfoproliferativos B la clonalidad puede demostrarse analizando el reordenamiento tanto del gen que codifica para la cadena pesada como los genes que codifican para las cadenas ligeras de inmunoglobulinas. Otro signo indirecto de clonalidad lo podemos obtener estudiando por inmunofenotipo la expresión de cadenas ligeras en la población linfocitoide de interés, en la que una expresión de tipo monoclónica será sospechosa de malignidad. En este trabajo hemos evaluado la relación entre el resultado del reordenamiento de cadenas ligeras y el tipo de cadena ligera expresada en caso de linfomas B de tipo no Hodgkin (LNH-B).

Material y métodos: Seleccionamos 51 casos de LNH-B (26 DLBCL, 15 linfomas foliculares, 3 linfomas marginales y otros (7)), diagnosticados en nuestro centro entre 2008 y 2010. En todos ellos se llevó a cabo un estudio de reordenamiento de cadenas ligeras mediante técnicas de biología molecular analizando el reordenamiento de la cadena kappa, del kappa deleting element y de la cadena lambda, según el protocolo BIOMED-2. Por otro lado, también se determinó en cada caso la expresión de cadenas ligeras por inmunohistoquímica o citometría de flujo.

Resultados: En 15 casos se observó expresión monoclónica de cadenas ligeras kappa. En éstos, la concordancia con el resultado de los estudios de reordenamiento molecular (reordenamiento kappa clonal) fue observado en 9 casos (60%), mientras que en 4 casos no se observó ningún reordenamiento clonal, y en 2 casos se observó un reordenamiento clonal lambda. En 16 casos se observó expresión monoclónica de cadenas ligeras lambda. En éstos, la concordancia con el resultado de los estudios de reordenamiento molecular (reordenamiento kappa deleting element y/o reordenamiento lambda clonal) fue observado en 15 casos (94%). En 20 casos, no pudimos demostrar expresión monoclónica de cadenas ligeras. En estos casos, el estudio molecular fue el que mostró mayor variabilidad de resultados, hallándose un patrón clonal en uno o más de los segmentos estudiados en el 70% de los casos.

Conclusión: El tipo de cadena ligera expresada por las células tumorales no coincide siempre con el reordenamiento observado a nivel molecular, siendo el estudio del reordenamiento de la cadena kappa menos concordante que el de la cadena lambda con el tipo de cadena ligera expresada (60% vs 94%). Asimismo, en el 70% de los casos que no dan lugar a proteína detectable con los anticuerpos utilizados se observa algún reordenamiento clonal de cadenas ligeras, reordenamientos que interpretamos como no funcionales.