

EVOLUCIÓN CLONAL EN LEUCEMIA LINFÁTICA CRÓNICA. ESTUDIO PRELIMINAR

C. López¹, D. Costa¹, C. Gómez¹, A. Arias¹, N. Villamor¹, D. Colomer¹, M. Rozman¹, T. Bauman², E. Montserrat², E. Campo¹, A. Carrió¹

¹ Unidad de Hematopatología; ² Servicio de Hematología. Hospital Clínic de Barcelona

Introducción: La leucemia linfática crónica (LLC) es un síndrome linfoproliferativo caracterizado por la expansión de linfocitos B maduros, en el que las alteraciones citogenéticas tienen un gran valor pronóstico. Las más frecuentes son la trisomía 12, y las deleciones de 13q14.3, 11q22.3 y 17p13. En algunos pacientes no se detectan alteraciones al diagnóstico pero sí en la evolución de la patología. El objetivo de este trabajo es estudiar la frecuencia de la evolución clonal en pacientes afectos de LLC que tienen más de dos muestras.

Material y métodos: Se analizan 125 pacientes con dos estudios citogenéticos (convencional y/o FISH), uno al diagnóstico y otro durante el curso de la enfermedad. Se determina si los pacientes presentan evolución clonal (adquisición de alteraciones citogenéticas durante el curso de la enfermedad) comparando los resultados obtenidos al diagnóstico con los de las muestras posteriores. La media de seguimiento entre la muestra de diagnóstico y la de evolución fue de 38,10 meses (6-116).

Resultados: Se evidenció evolución, mediante citogenética convencional, en el 30% de los casos. El 57% de éstos tenían un cariotipo normal al diagnóstico, que se alteraba con el transcurso de la enfermedad. Un 57% de los casos con adquisición de nuevas alteraciones citogenéticas presentaron cariotipos complejos. El 43% de los casos, analizados con FISH, mostraron evolución clonal. En el 78% de éstos se añadía una alteración a una ya existente. La alteración más frecuente relacionada con la evolución es la del(13q). En 25 pacientes se pudo realizar el estudio de la evolución clonal mediante ambas técnicas. El 60% de los casos fueron concordantes en cuanto a resultado, mientras que un 28% de los casos solamente mostró evolución clonal con el FISH.

Conclusión: Este análisis preliminar muestra que la evolución clonal en la LLC es frecuente y es un evento a tener en cuenta, evidenciándose tanto por citogenética convencional como por FISH. La del(13q) es la alteración más frecuentemente añadida, en el transcurso de la patología, mediante FISH. Tanto el cariotipo como la FISH muestran evolución clonal a partir de los 10 meses de seguimiento. Ambas técnicas son necesarias para el estudio de la evolución clonal dado que un 40% de los casos sólo mostraron dicha evolución con una de las dos técnicas utilizadas para el análisis.