

ANÁLISIS DE LA EXPRESIÓN EN EL PLASMA DE HSA-MIR-365-1 EN PACIENTES CON ENFERMEDAD DE PARKINSON PORTADORES DE MUTACIONES RELACIONADAS CON ENFERMEDAD DE GAUCHER

J. Gervás-Arruga, M. Andrés, B. García-Rodríguez, M. Pocoví, P. Giraldo

Centro de Investigación Biomédica en Red de Enfermedades Raras (CIBERER).

Instituto Aragonés de Ciencias de la Salud (I+CS). Laboratorio de Investigación Traslacional.

Hospital Universitario Miguel Servet. Zaragoza

Objetivos: Analizar por PCR cuantitativa la expresión del microRNA hsa-miR-365-1 en muestras de plasma en un grupo de pacientes con EP frente a un grupo de pacientes con EP portadores de mutaciones en el gen de la glucocerebrosidasa (GBA).

Pacientes y métodos: Se han analizado un total de 10 pacientes con EP. Se han definido dos grupos. Grupo 1: 5 Pacientes con EP (40% mujeres; edad media: 67 años; rango: 62-72) y Grupo 2: 5 Pacientes con EP portadores de mutaciones en el gen GBA, (60% mujeres; edad media: 70 años; rango: 62-84). Se analizó un grupo control de 7 individuos sin EP (28,6% mujeres; edad media: 72 años; rango: 58-85). Se extrajo el RNA a partir de 200 µl de plasma mediante el kit miRNeasy (Qiagen, Hilden, Alemania), introduciendo como estándar interno el microRNA sintético cel-miR-39-1 (Sigma-Aldrich St. Louis, MO). Para la cuantificación relativa del microRNA hsa-miR-365-1 se utilizó el kit miScript PCR System (Qiagen, Hilden, Alemania). Las señales fueron detectadas en la plataforma ABI Prism 7000 Sequence Detector PE (*Applied Biosystems*, Foster City, USA). Los resultados fueron analizados mediante el programa informático REST 2009 (Qiagen, Hilden, Alemania).

Resultados: Se observó una disminución de la expresión de hsa-miR-365-1 en el Grupo 2 frente a los controles con diferencias significativas ($p=0.02$). No se observaron diferencias significativas en la expresión del microRNA en el Grupo 1 frente a los controles.

Conclusiones: Hemos observado diferencias significativas en la expresión relativa del microRNA hsa-miR-365-1 entre los pacientes con EP portadores de mutaciones en el gen GBA y los controles. Se requiere un número mayor de muestras para confirmar nuestros resultados.

Este trabajo ha sido parcialmente financiado por el CIBERER.