

ESTUDIO CITOGENÉTICO DE UNA SERIE DE 11 PACIENTES DIAGNOSTICADOS DE TRICOLEUCEMIA

Alvarez Y^a, Ripollés L^a, Mármol D^a, Maymó E^a, Chicano M^a, Diaz O^a, Gaitán S^a, López L^a, Borràs E^a, Canellas A^a, Puig L^a, Peris M^a, Baena N^a, Ortuño P^b, Carrascosa T^c, Cusó E^a, Ortega M^a

^aLab Citogenètica Oncohematològica-Balaguer Center. Barcelona ^bServ Hematologia. Hospital Morales-Messeguer, Murcia ^cServ Hematologia. Hospital Galdakao, Vizcaya

Objetivo: La tricoleucemia representa un 2% de todas las leucemias diagnosticadas, siendo escasos los estudios citogenéticos. El propósito de este trabajo es describir los resultados citogenéticos obtenidos en nuestro laboratorio y compararlos con los de la literatura.

Material y métodos: Se han estudiado 11 pacientes diagnosticados de tricoleucemia entre 2003 y 2007. Para cada paciente se ha realizado un cultivo de médula ósea (MO) o sangre periférica (SP) de 48h sin estimular y otro de 72h estimulado con TPA. Se ha aplicado la técnica de bandas G y se ha descrito el cariotipo según el ISCN (1995).

Resultados: En nueve de 11 pacientes se obtuvo resultado citogenético, no obteniéndose metafases en los dos restantes. Se han descrito alteraciones cromosómicas en un 22.2% (2/9). Como alteraciones numéricas se ha observado monosomía de los cromosomas 5, 9 y 10, mientras que las alteraciones estructurales han implicado a las bandas 3q29, 7q32 y 11p15.

Discusión: El porcentaje de alteraciones ha sido del 22.2%, valor incluido en el rango descrito en la literatura (3.5-80%). Estas variaciones pueden ser debidas a las series cortas descritas¹. La monosomía 5 descrita en uno de nuestros pacientes no ha sido observada en la literatura, donde éste aparece en forma de trisomía. La monosomía del cromosoma 10 observada en uno de nuestros pacientes se ha descrito en aproximadamente un 5% de los casos¹. Las alteraciones estructurales observadas en nuestra serie también se han descrito en la literatura, siendo la más frecuente la del(7)(q32) en un 6.3% aproximadamente¹. No se han observado alteraciones en 14q32 a pesar de ser una de las alteraciones más frecuentes en la tricoleucemia.

Conclusiones: a) La incidencia de alteraciones descritas en nuestra serie está dentro del rango descrito en la literatura, b) El hecho de haber realizado la mayoría de estudios en MO en lugar de SP puede haber influido en el bajo porcentaje de alteraciones descrito, c) Son necesarios más estudios para dilucidar el mecanismo genético de la tricoleucemia.

Bibliografía: ¹Sambani C, Trafalis DTP, Mitsoulis-Mentzikoff C, et al. Clonal cromosoma rearrangements in hairy cell leukemia: personal experience and review of literature. *Cancer Genet Cytogenet* 129(2001): 138-144