

P-087

## NIVEL DE METILACIÓN GÉNICA EN PACIENTES CON LINFOMA DIFUSO DE CÉLULA GRANDE B

Losada R<sup>a</sup>, Garcia A<sup>a</sup>, Paz-Carreira J<sup>a</sup>, Alvarez A<sup>b</sup>, Bal F<sup>c</sup>, Alba J<sup>d</sup>.

*<sup>a</sup>Centro Oncológico de Galicia. <sup>b</sup>Complejo Hospitalario Juan Canalejo. La Coruña. <sup>c</sup>Complejo Hospitalario Xeral-Calde. <sup>d</sup>POLUSA. Lugo*

**Introducción:** Los Linfomas Difusos de Célula Grande B (LDCGB) representan un grupo heterogéneo desde un punto de vista clínico, morfológico y de respuesta al tratamiento. Desde un punto de vista biológico la heterogeneidad puede ser tanto genética como epigenética. El mecanismo epigenético más relevante es la metilación del DNA.

**Objetivo:** El objetivo de este estudio es analizar el nivel de metilación de una serie de genes relacionados con regulación del ciclo celular (p14) y transformación tumoral y respuesta a hormonas (RARβ) en pacientes con LDCGB. Se pretende identificar un perfil de metilación para estos tres genes característico de esta entidad.

**Material y métodos:** se analizó el nivel de metilación de los tres genes en ganglios linfáticos de 10 pacientes con LDCGB. El ADN extraído de las muestras fijadas e incluidas en parafina fue modificado mediante procesamiento con bisulfito. Las regiones genómicas metiladas y no metiladas fueron discriminadas mediante el diseño de primers específicos para las secuencias diana del ADN tratado mediante una PCR específica de metilación (MS-PCR). Los productos obtenidos se sometieron a electroforesis en geles de acrilamida al 8% y se visualizaron mediante tinción con plata.

**Resultados:** En el 100% de los pacientes amplificaron el alelo metilado del gen p14. En todos ellos también se observó la amplificación del alelo no metilado. En el 80% de los pacientes amplificaron el alelo metilado de RARβ. Los dos pacientes en los que no se observó amplificación para el gen metilado presentaban, al igual que los otros 8 amplificación para el alelo no metilado.

**Conclusiones:** En todas las muestras estudiadas el gen regulador del ciclo celular p14 estaba metilado lo que coincide con lo recogido en la literatura. La mayoría de los pacientes presentaban metilación del gen RARβ. Son necesarios estudios más extensos para precisar el significado de la asociación del silenciamiento de este gen y un regulador del ciclo celular como es p14.