

## **PROGRAMA DE EVALUACIÓN EXTERNA DE LA CALIDAD CITOGENÉTICA E HIBRIDACIÓN IN SITU POR FLUORESCENCIA FISH) EN NEOPLASIAS HEMATOLÓGICAS: 2006**

**I. Granada y F. Solé.**

*Grupo Cooperativo Español de Citogenética Hematológica (GCECGH). Asociación Española de Hematología y Hemoterapia (AEHH).*

Se presentan los resultados del programa de control de calidad externo de estudios citogenéticos e hibridación *in situ* en neoplasias hematológicas realizados durante el año 2006.

**Metodología:** *Citogenética convencional:* cada centro se le asigna un código confidencial y recibe 9 fotografías en soporte informático de tres casos distintos. Se adjunta una hoja de recogida de datos a rellenar, en la que se anota la fórmula cromosómica según la ISCN 1995. Se remiten los formularios a la secretaría de la AEHH y se realiza un informe conjunto. *FISH – LSI 13q14 (Rb):* con el mismo código el centro recibe por correo una muestra de células fijadas en solución Karnoy. Se adjunta una hoja de recogida de datos, en la que se describe el patrón de hibridación de cada caso y el tipo de sonda utilizada. Se remiten los formularios de los dos controles a la secretaría de la AEHH y se realiza un informe conjunto.

**Resultados:** Han participado los 17 centros que recibieron la información para el módulo de citogenética, 8 de los cuales solicitaron participar en el módulo de FISH. Los resultados del módulo de citogenética convencional han sido los siguientes: respecto al primer caso 11 grupos han detectado un  $i(1)(q10)$ , 5 centros anomalías diversas del cromosoma 1 (una inversión, una delección, dos translocaciones, y un hsr del 1), un centro cariotipo normal. En el segundo caso, todos han detectado una  $t(1;3)$ , en 10 de los 17 participantes coinciden los puntos de rotura. Respecto al tercer caso, todos han detectado una  $t(1;7)$  (puntos de rotura muy variables), 12 centros observan la trisomía 8, en 3 dudan entre trisomía 8 u 9, un centro pone trisomía 9, un centro no describe la adquisición de un cromosoma. Los resultados del módulo del FISH han sido los siguientes: un centro no recibió la muestra, los 5 participantes que utilizaron la sonda para el Rb detectan una sola señal de hibridación entre el 5,7% y el 15%, dos centros utilizan la sonda D13S25 y detentan un 87-88% de núcleos con una sola señal d'hibridación.

**Conclusiones:** Aunque las anomalías cromosómicas han sido detectadas en casi la totalidad del grupo, los puntos de rotura han sido muy variables. Los resultados del FISH han sido satisfactorios.